

Sustainable Future Shaped by Diverse Epigenome and Genome Research

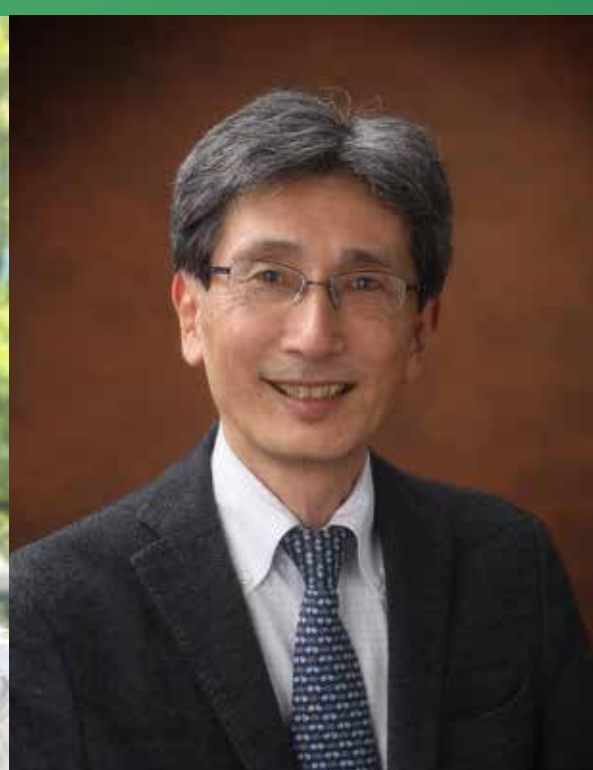
C-03

【多様なエピゲノム・ゲノム研究が描く持続可能な未来】



Naoki Kubo
久保 直樹

理化学研究所
バイオリソース研究センター
遺伝子発現エピゲノム研究チーム
チームディレクター



Hiroyuki Sasaki
佐々木 裕之

九州大学
高等研究院
特別主幹教授



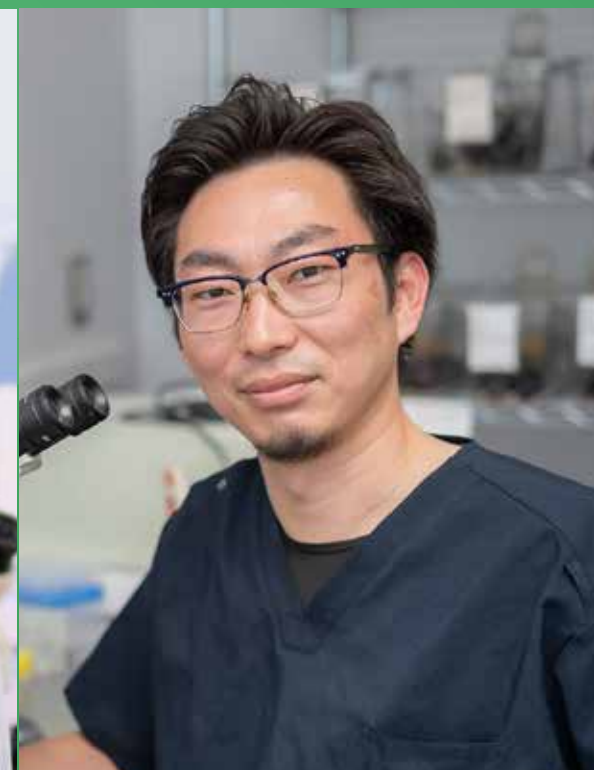
Benson Chen
Benson Chen

Genome Institute of Singapore (GIS)
Agency for Science
Technology and Research (A*STAR)
Laboratory of EpiMetaGenomics
Principal Scientist



Kimiko Inoue
井上 貴美子

理化学研究所
バイオリソース研究センター
統合発生工学研究開発室
室長



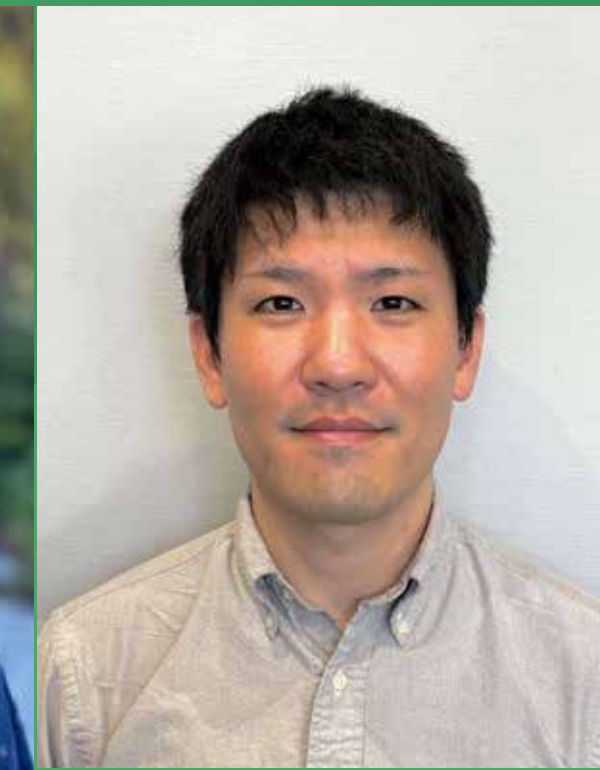
Shingo Miyawaki
宮脇 慎吾

国立大学法人岐阜大学
応用生物科学部共同獣医学科
准教授



Akihiko Sakashita
坂下 陽彦

理化学研究所
バイオリソース研究センター
ゲノム可塑性発生制御研究チーム
チームディレクター



Shohei Kojima
小嶋 将平

慶應義塾大学
ヒト生物学・微生物叢・量子計算
研究センター
特任准教授

Timetable

13:30 - 13:31	Opening Remarks	Naoki Kubo
13:31 - 13:47	Epigenome and 3D Genome in Gene Regulation: Challenges in Gene-to-Phenotype Mapping	Naoki Kubo
13:47 - 14:10	Sex, Genes, and Disease: Decoding Phenotypes through Genome Editing and Comparative Genomics	Shingo Miyawaki
14:10 - 14:45	Gut microbiota-dependent gene regulation	Benson Chen
14:45 - 15:00	Break	
15:00 - 15:16	Functions of the large-scaled microRNA cluster derived from retrotransposons in rodent placentas	Kimiko Inoue
15:16 - 15:32	Retrotransposon-driven regulatory landscapes shape early developmental program in mammals	Akihiko Sakashita
15:32 - 15:55	Genetics of human transposons reveals gene regulation and disease risk	Shohei Kojima
15:55 - 16:30	X-chromosome inactivation, reprogramming, and coat color patterns in cats	Hiroyuki Sasaki



2025年10月1日(水) / 13:30~16:30

会場：つくば国際会議場 Room201B

セッション主催：理化学研究所バイオリソース研究センター

参加登録はこちら ▶

